

SEQ LIST.ST25.txt
SEQUENCE LISTING

<110> SANKYO COMPANY, LIMITED
<120> Method of Detecting Genetic Polymorphism
<130> FP0427
<140>
<150> JP 2003-378039
<151> 2003-11-07
<150> JP 2004-121080
<151> 2004-04-16
<160> 10
<170> PatentIn version 3.1
<210> 1
<211> 20
<212> DNA
<213> Homo sapiens
<220>
<223> Inventor: Koizumi, Makoto
<400> 1
cactgggagc attgaggctc 20

<210> 2
<211> 20
<212> DNA
<213> Homo sapiens
<220>
<221> allele
<222> (20)..(20)
<223> C is transitioned to T

<400> 2
cactgggagc attgaggctt 20

<210> 3
<211> 28
<212> DNA
<213> Mus musculus
<220>
<221> allele
<222> (28)..(28)
<223> C is transitioned to T

<400> 3
atctgtctac atatataac acacacat 28

<210> 4

SEQ LIST.ST25.txt

<211> 28
 <212> DNA
 <213> Mus musculus

<400> 4
 atctgtctac atatataac acacacac 28

<210> 5
 <211> 18
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 5
 gggatgaaggc tgtgaccg 18

<210> 6
 <211> 25
 <212> DNA
 <213> Mus musculus

<400> 6
 gtcactagac tactgcttac tgtcc 25

<210> 7
 <211> 25
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> primer E

<400> 7
 catgtctact gctacttcac atgtg 25

<210> 8
 <211> 25
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> primer F

<400> 8
 catgtctact gctacttcac atgta 25

<210> 9
 <211> 25
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> primer G

<400> 9
 catgtctact gctacttcac atggg 25

<210> 10

SEQ LIST.ST25.txt

<211> 25
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer H

<400> 10
catgtctact gctacttcac atgga

25